

文部科学省2022年度「富岳」成果創出加速プログラム
「大規模データ解析と人工知能技術によるがんの起源と多様性の解明」
NPO法人バイオインフォマティクス・ジャパン
共同開催シンポジウム
後援：一般財団法人 高度情報科学技術研究機構

がんはどのようににはじまり そしてどのように強敵にばけるのか

お問い合わせ symposium_2022@odcla.mddsc.jp

東京医科歯科大学
M&Dデータ科学センター

▶ 開催方法 Zoomウェビナー

▶ 詳細とお申込み

<https://odcla.mddsc.jp/posts/2022/09/2022-09-02-symposium-fy2022/>
または右QRコードからお申し込みください。



▶ プログラム

14:00-14:05

開会挨拶

宮野 悟

東京医科歯科大学M&Dデータ科学センター長/
NPO法人バイオインフォマティクス・ジャパン理事

五斗 進

NPO法人バイオインフォマティクス・ジャパン副理事長/
ライフサイエンス統合データベースセンター副センター長

14:05-14:45

基調講演

小川誠司 京都大学大学院医学研究科腫瘍生物学講座教授
がんの起源を探る

14:45-15:10

招待講演

三森功士 九州大学病院別府病院外科教授
生物の進化論で考える、がんが難治である理由
(特に大腸がんに注目して)

15:10-15:35

招待講演

丸橋弘治 富士通株式会社 富士通研究所プロジェクトマネージャ
「未知」を発見する人工知能

15:35-16:00

招待講演

Heewon Park 東京医科歯科大学M&Dデータ科学センター教授
NPO法人バイオインフォマティクス・ジャパン理事

胃がん抗がん剤の耐性メカニズム解明を
目指す遺伝子ネットワーク解析

16:00-16:25 総合討論

16:25-16:30 閉会

2022年
12月18日(日)

14:00-16:30

Zoom事前登録

100名

参加費無料